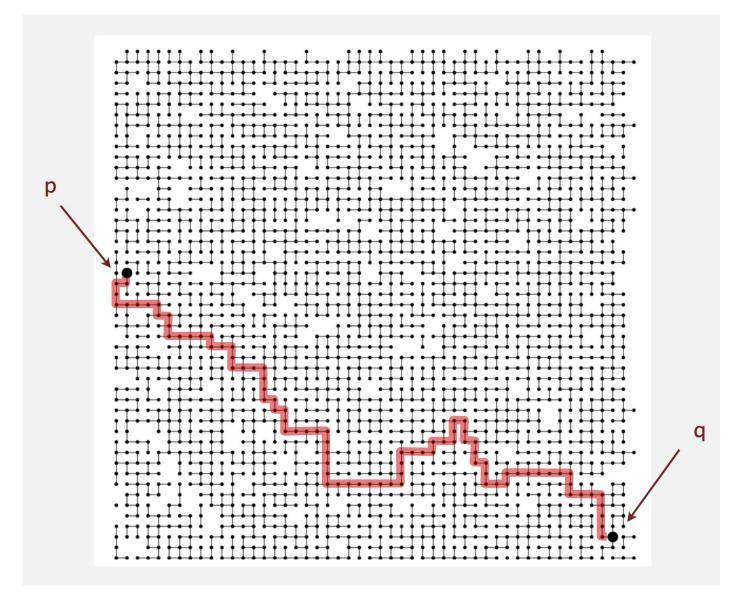
14. Union-Find-Struktur

- Motivation
- Problemstellung Partitionierung
- Partitionierung als Wald mit Elternfeld als Datenstruktur
- Find-Algorithmus
- Union-By-Height und Union-By-Size
- Pfad-Kompression und Union-By-Rank
- Analyse
- Implementierung einer generischen Union-Find-Struktur
- Anwendungen

Motivation - Konnektivitätsproblem

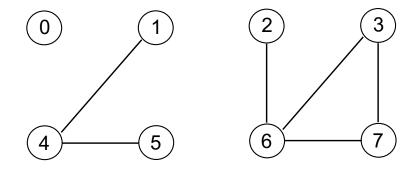


- Sind Knoten p und Knoten q durch einen Weg verbunden?
- Frage soll auch effizient beantwortet werden für andere Knotenpaare p und q!
- Außerdem dürfen neue Kanten zum Graph hinzugefügt werden.

Ungerichteter Graph aus https://algs4.cs.princeton.edu/lectures/keynote/15UnionFind.pdf

Lösungsansatz für Konnektivitätsproblem

 Zerlege Knotenmenge V in disjunkte Teilmengen (Partitionierung), so dass jede Teilmenge alle Knoten enthält, die miteinander über einen Weg verbunden sind.



$$V = \{0\} \cup \{1,4,5\} \cup \{2,3,6,7\}$$

Beachte: Teilmengen sind disjunkt!

 Knoten p und q sind genau dann durch einen Weg verbunden, falls p und q in derselben Teilmenge enthalten sind.

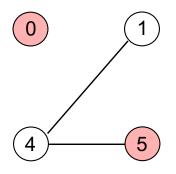
Problemstellung

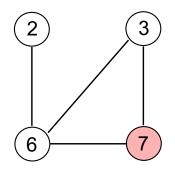
- Verwalte Partionierung einer Menge G.
 D.h. Zerlegung der Menge G in disjunkte Teilmengen.
- Operation find(x) liefert irgendein Element (Repräsentant)
 aus der Teilmenge zurück, zu der x gehört.
 Außerdem: find(x) = find(y) gdw. x und y zur selben Teilmenge gehören.
- Operation union(x,y) vereinigt die Teilmenge, zu der x gehört, mit der Teilmenge, zu der y gehört.
- Die Partitionierung ist daher dynamisch!
- Die Datenstruktur, die die Operationen union und find anbietet wird auch Union-Find-Struktur genannt.

Beispiel zu Konnektivitätsproblem

• find(2) = find(3) = 7

Also: 2 und 3 gehören zur selben Teilmenge. Knoten 7 ist als Repräsentant seiner Teilmenge hier willkürlich gewählt.

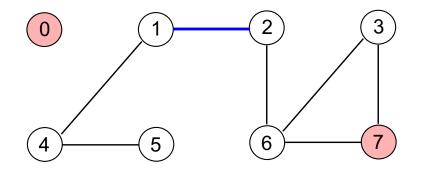




$$V = \{0\} \cup \{1,4,5\} \cup \{2,3,6,7\}$$

0, 5 und 7 sind Repräsentanten

• Füge eine Kante (1,2) ein und führe daher union(1,2) aus:



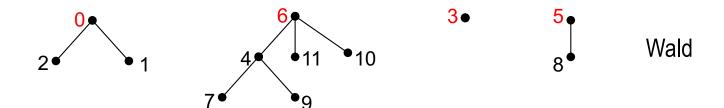
Partitionierung als Wald

- Speichere Teilmengen einer Partitionierung als Bäume.
- Die Wurzel ist der Repräsentant der jeweiligen Teilmenge.
- Alle Teilmengen einer Partitionierung ergeben daher einen Wald (Menge von Bäumen)
- Beispiel:

$$G = \{0, 1, 2\} \cup \{4, 6, 7, 9, 10, 11\} \cup \{3\} \cup \{5, 8\}$$

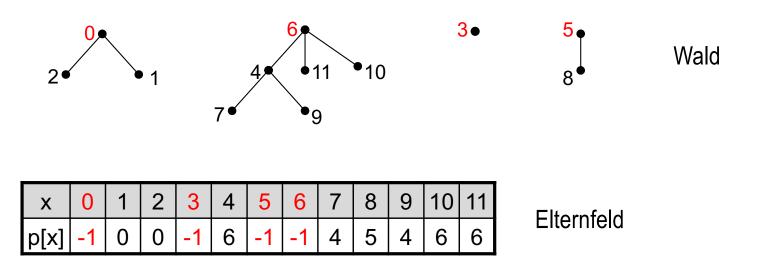
Partitionierung.

Repräsentant der jeweiligen Teilmenge.



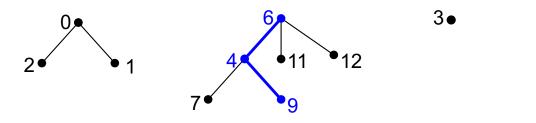
Wald mit Elternfeld als Datenstruktur

- Annahme: Verwaltung einer Partitionierung von G = {0, 1, 2, 3, ..., n-1}.
 Elemente können dann geschickterweise als Feldindex verwendet werden.
- Wald als Elternfeld p, wobei p[x] der Elternknoten von x ist.
- Falls x eine Wurzel ist, dann enthält p[x] einen negativen Wert.
 Zum Beispiel p[x] = -1.



Hier noch -1. Später anderer negativer Wert

Find-Algorithmus



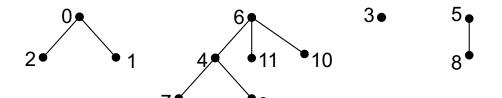


Х	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11
p[x]												

Beachte: x und y gehören zur selben Menge gdw. find(x) = find(y)

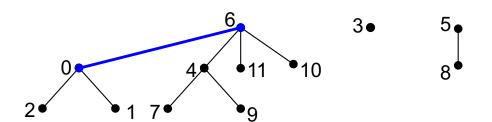
Union-Algorithmus - Idee

- Werden zwei Mengen vereinigt, dann wird der kleinere Baum als Kind der Wurzel des größeren Baums eingehängt.
- Beispiel:



Х	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11
p[x]	-1	0	0	7	6	7	-1	4	5	4	6	6

union(2,4) vereinigt die Menge {0, 1, 2} und die Menge {4, 6, 7, 9, 10, 11}.



Х	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11
p[x]	6	0	0	-1	6	-1	-1	4	5	4	6	6

- Varianten: Wähle als Größe die Höhe bzw. die Knotenanzahl.
 - → Union-By-Height bzw. Union-By-Size

Union-By-Height

- Es wird der Baum mit der kleineren Höhe an die Wurzel des Baums mit der größeren Höhe gehängt.
- Die Höhe h für ein Baum lässt sich bei p[w], wobei w die Wurzel ist, als negative Zahl abspeichern: p[w] = -1-h

```
void unionByHeight (int x1, int x2) {

    w1 = find(x1);
    w2 = find(x2);
    if (w1 == w2) return;

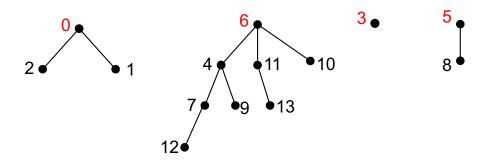
if (-p[w1] < -p[w2]) // Höhe von w1 < Höhe von w2
        p[w1] = w2;

else {
        if (p[w1] == p[w2]) // w1 und w2 sind gleich hoch
            p[w1]--; // Höhe von w1 erhöht sich um 1
        p[w2] = w1;
    }
}</pre>
```

Union-By-Size

- Es wird der Baum mit geringerer Anzahl Knoten an die Wurzel des Baums mit größerer Anzahl Knoten gehängt.
- Die Knotenanzahl n für ein Baum lässt sich bei p[w], wobei w die Wurzel ist, als negative Zahl abspeichern: p[w] = -n

Beispiel für Union-By-Height (1)

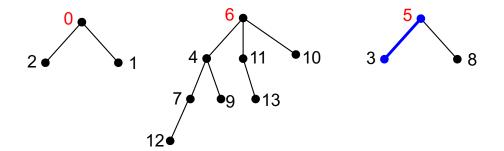


е	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
p[e]	-2	0	0	-1	6	-2	-4	4	5	4	6	6	7	11

Wurzeln

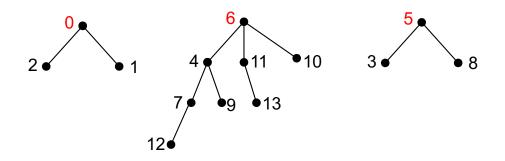
Höheninformation





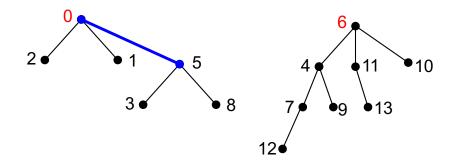
е	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
p[e]	-2	0	0	5	6	-2	-4	4	5	4	6	6	7	11

Beispiel für Union-By-Height (2)



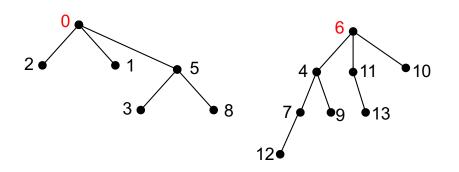
е	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
p[e]	-2	0	0	5	6	-2	-4	4	5	4	6	6	7	11





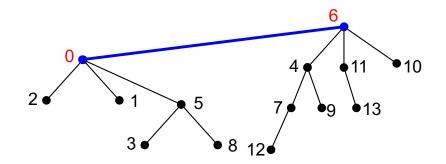
														13
p[e]	-3	0	0	5	6	0	-4	4	5	4	6	6	7	11

Beispiel für Union-By-Height (3)



е	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
p[e]	-3	0	0	5	6	0	-4	4	5	4	6	6	7	11

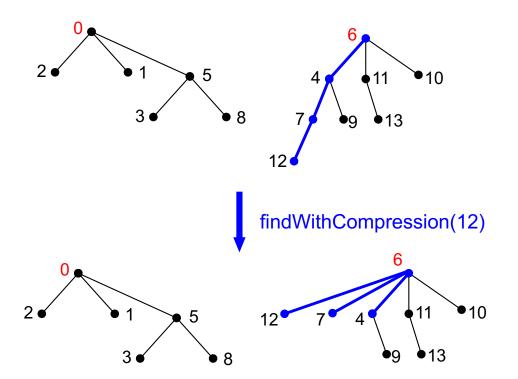




е	0	1	2	3	4	5	60	7	8	9	10	11	12	13
p[e]	6	0	0	5	6	0	-4	4	5	4	6	6	7	11

Find mit Pfadkompression (1)

- Idee: find(x) durchläuft Pfad p vom Knoten x bis zur Wurzel.
 Dabei werden alle Knoten (außer der Wurzel) des Pfads p direkt auf die Wurzel verlinkt.
- Der Pfad wird dadurch komprimiert.
- Da die Komplexität von find im Wesentlichen von der Baumhöhe bestimmt wird, hat die Pfadkompression über die Zeit gemittelt einen positiven Effekt auf die Laufzeit.



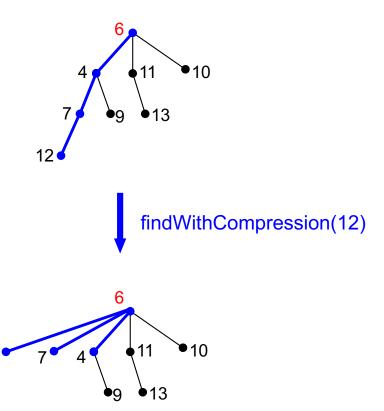
е	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
p[e]	-3	0	0	5	6	0	-4	4	5	4	6	6	7	11

е	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
p[e]	-3	0	0	5	6	0	-4	6	5	4	6	6	6	11

Find mit Pfadkompression (2)

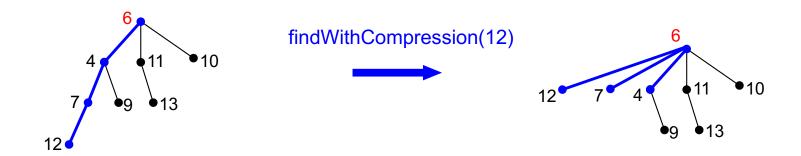
 Pfadkompression lässt sich am einfachsten rekursiv implementieren!

```
int findWithCompression(int x) {
    if (p[x] < 0)  // x ist Wurzel
        return x;
    else {
        p[x] = findWithCompression(p[x]);
        return p[x];
    }
}</pre>
```



Union-By-Rank

- Wird find mit Pfad-Kompression verwendet, dann stimmt im allgemeinen die Höhenangabe bei der Wurzel nicht mehr.
- Union-by-Height kann dennoch unverändert verwendet werden. Das Union-Verfahren wird dann aber Union-By-Rank genannt. Die "Höheninformationen" werden dabei auch Rank-Werte genannt.
- Union-by-Size ist dagegen kompatibel mit find mit Pfad-Kompression.



p[6] = -4. Höhe = 3.

Es bleibt p[6] = -4. Jedoch Höhe = 2.

Analyse von Union-Find-Strukturen

1. unionByHeight und find mit n-Elementen haben eine Laufzeit von $T(n) = O(\log n)$.

Es lässt sich induktiv zeigen, dass in der Union-Find-Struktur die Höhe jedes Baums höchstens log(n) ist. (siehe [Sedgewick, Algorithms])

- Analog lässt sich zeigen, dass unionBySize und find eine Laufzeit von T(n) = O(log n)
 haben.
- 3. Eine sehr aufwendige Analyse zeigt, dass eine Folge von m unionByRankund findWithCompression-Operationen eine Laufzeit von O(m log*(n)) haben.

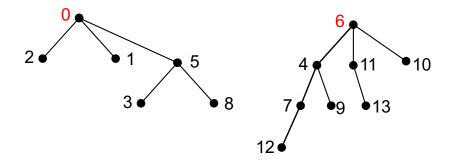
Dabei ist $log^*(n)$ die Inverse der einstelligen Ackermann-Funktion. $log^*(n)$ gibt an wie oft n logarithmiert werden muss, bis 1 erreicht wird. Z.B. ist $log^*(65536) = 4$, da log(log(log(65536)))) = 1. Und $log^*(2^{65536}) = 5$.

 $\log^*(n)$ wächst so langsam, dass praktisch $O(m \log^*(n)) \approx O(m)$ angenommen werden kann. D.h. im Durchschnitt haben unionByRank und findWithCompression praktisch eine Laufzeit von O(1).

Siehe [Weiss, Data Analysis and Algorithm Analysis in Java].

Implementierung bei beliebigem Elementtyp

- Ein Eltern<u>feld</u> als Datenstruktur für eine Partitionierung setzt voraus, dass die Elemente als Indizes verwendet werden können. Also Menge der Elemente = {0, 1, 2, ..., n-1}.
- Sind die Elemente von einem beliebigen Typ T (z.B. Point, String, etc.), dann kann für das Elternfeld ersatzweise eine Map verwendet werden.
- Die Höheninformation (bzw. Anzahl Knoten bzw. Rank) wird in einer separaten Map verwaltet.



е	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
p[e]	-3	0	0	5	6	0	-4	4	5	4	6	6	7	11

Elternfeld p mit Verweisen auf Elternknoten bzw. Höheninformationen als negative Werte

Map<T,T> p = **new** HashMap<>(); Map<T,Integer> height = **new** HashMap<>();

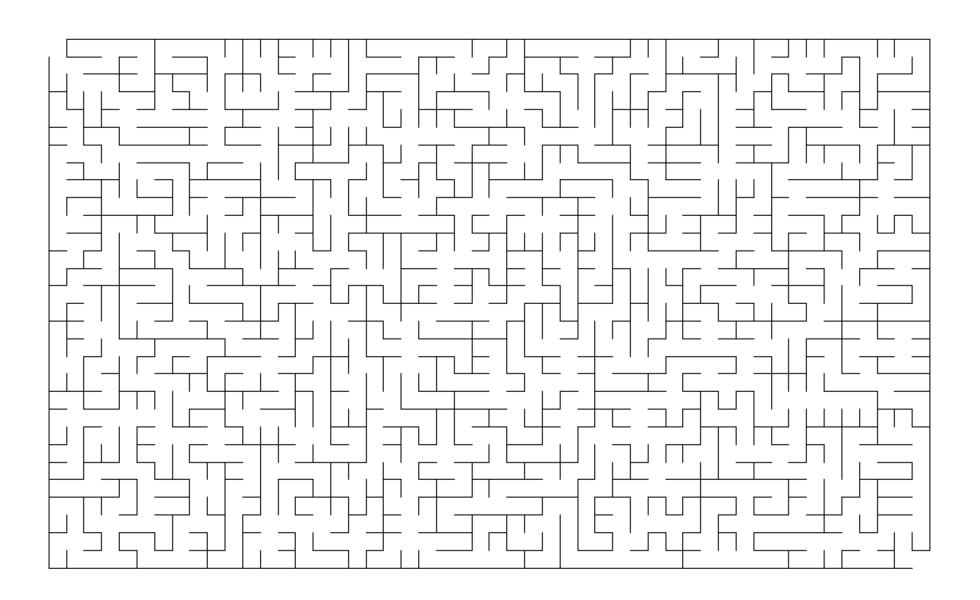
Map p, die für jeden Knoten den Elternknoten speichert. Wurzeln sind in p nicht enthalten!

Map height, die für jede Wurzel die Höheninformationen speichert.

14. Union-Find-Struktur

- Motivation
- Problemstellung Partitionierung
- Partitionierung als Wald mit Elternfeld als Datenstruktur
- Find-Algorithmus
- Union-By-Height und Union-By-Size
- Pfad-Kompression und Union-By-Rank
- Analyse
- Implementierung einer generischen Union-Find-Struktur
- Anwendungen

Generierung von Labyrinthen

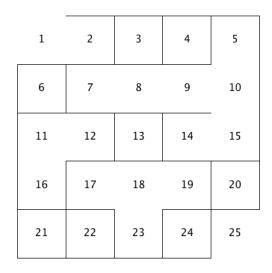


Generierung von Labyrinthen mit einer Union-Find-Struktur

Idee:

Union-Find-Struktur um Erreichbarkeit von Zellen in einem Labyrinth zu speichern: zwei Zellen des Labyrinths sind genau dann in der gleichen Teilmenge, falls sie gegenseitig erreichbar sind.

Labyrinth



Union-Find-Struktur

Algorithmus (1) - Initialisierung

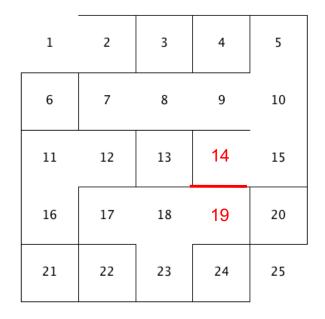
Initialisiere Labyrinth mit n*n Einzelzellen:

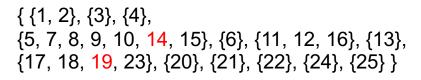
1	2	3	4	5
6	7	8	9	10
11	12	13	14	15
16	17	18	19	20
21	22	23	24	25

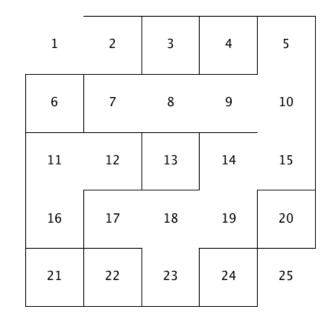
Union-Find-Struktur = { {1}, {2}, {3}, {4}, {5}, ... {25} }

Algorithmus (2): Wände beseitigen, so dass Erreichbarkeit erhöht wird

```
while (Anzahl Mengen in Union-Find-Struktur != 1) {
wähle eine Wand w (keine Außenwand) zufällig aus;
beseitige Wand w, falls dadurch
die beiden benachbarten Zellen erreichbar werden;
}
```





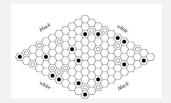


```
{ {1, 2}, {3}, {4},
{5, 7, 8, 9, 10, 14, 15, 17, 18, 19, 23},
{6}, {11, 12, 16}, {13}, {20}, {21}, {22}, {24}, {25} }
```

Weitere Anwendungen

Union-find applications

- Percolation.
- Games (Go, Hex).
- ✓ Dynamic connectivity.
 - · Least common ancestor.
 - Equivalence of finite state automata.
- · Hoshen-Kopelman algorithm in physics.
- Hinley-Milner polymorphic type inference.
- · Kruskal's minimum spanning tree algorithm.
- · Compiling equivalence statements in Fortran.
- Morphological attribute openings and closings.
- Matlab's bwlabel() function in image processing.







https://algs4.cs.princeton.edu/lectures/keynote/15UnionFind.pdf